

Componente de riesgo bajo análisis

Grado de riesgo que representa el componente en estudio

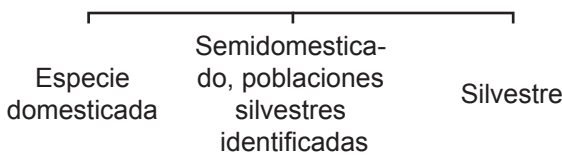
Bajo

Medio

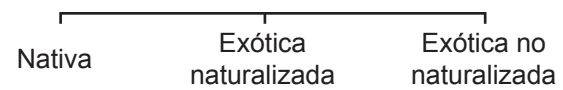
Alto

A. Especie receptora (organismo receptor sin modificar)

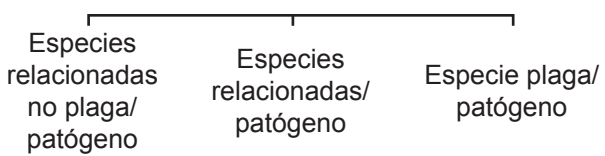
A1. Domestica-
ción



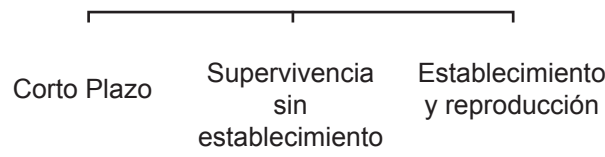
A2. Distribu-
ción original



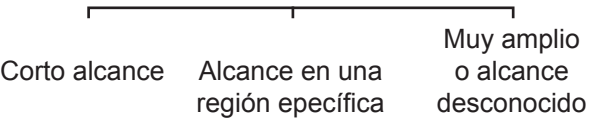
A3. Plaga/
Patógenos



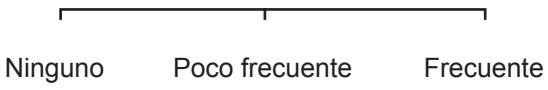
A4. Super-
vivencia en
condiciones
adversas



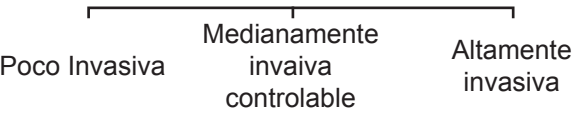
A5. Distribu-
ción, Hábitat



A6. Intercam-
bio genético en
poblaciones
naturales

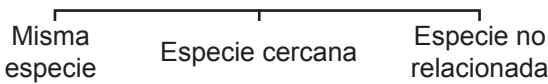


A7. Invasivi-
dad en
condiciones
silvestres

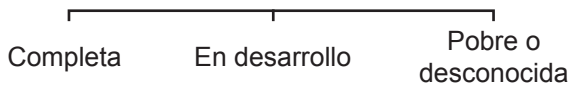


B. Constituyentes genéticos

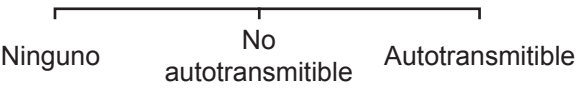
B1. Origen de
la característi-
ca



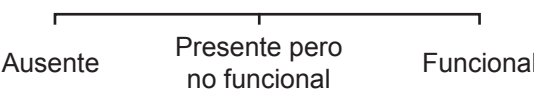
B2. Caracteri-
zación del
evento



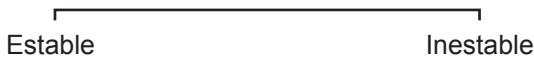
B3. Tipo de
vector



B4. Vector
ADN/ARN en
el genoma
alterado

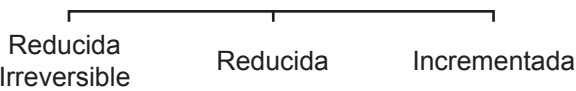


B5. Estabili-
dad de o los
eventos

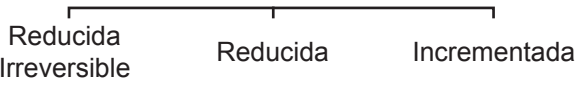


C. Fenotipo del OVM

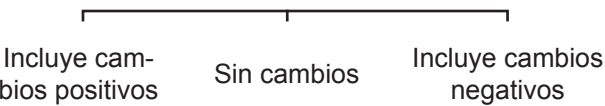
C1. Capaci-
dad de so-
brevivencia y
reproducción



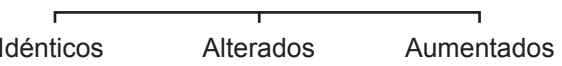
C2. Toxicidad



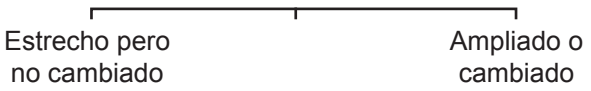
C3. Ámbito
del OVM para
servir como
hospedero



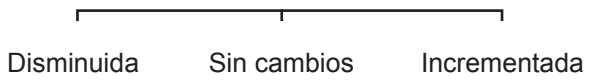
C4. Requer-
imientos del
sustrato



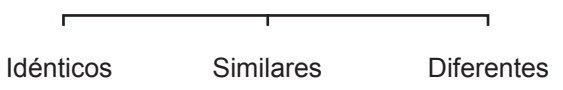
C5. Nicho
ecológico
(hábitat,
microhábitat)



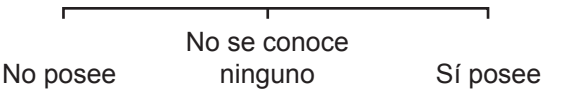
C6. Resisten-
cia a enfer-
medades,
parasitismo o
depredación



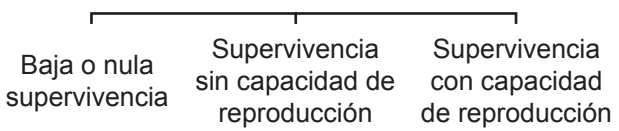
C7. Similitud
con fenotipos
utilizados de
forma segura
anteriormente



C8. Efectos no
intencionados



C9. Supervivencia
en
condiciones
adversas



C10. Efecto(s)
en el organis-
mo modifica-
do (fenotipos
diferentes
al objetivo
de transfor-
mación)



Componente de riesgo bajo análisis	Grado de riesgo que representa el componente en estudio		
	Bajo	Medio	Alto

D. Características del ambiente

